

To: (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) @rivm.nl; (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) @rivm.nl; (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e)
 (10)(2e) (10)(2e) @rivm.nl
From: (10)(2e) (10)(2e)
Sent: Tue 4/28/2020 1:28:21 PM
Subject: Biorxiv publicatie fylogenie
Received: Tue 4/28/2020 1:28:22 PM

Hoi (10)(2e)

Bij de auteurs van deze papers staat dat het 'on behalf of the RT' is – maar niet alle RT leden zijn dus geïnformeerd. Er wordt Osiris data gebruikt, maar er is geen auteur vanuit EPI of GGD, en ook geen acknowledgement hiervoor (alleen naar labs). Ik denk dat het terecht is om hiernaar te vragen bij (10)(2e) om een versie voor input naar het RT te sturen (en bij veel input: auteurschap), en om in ieder geval de acknowledgements aan te passen. Hoe zullen we dat doen?

(10)(2e)

From: (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>
Sent: dinsdag 28 april 2020 14:10
To: (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) @rivm.nl; (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e) (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>
Subject: FW: Gehonoreerd ZonMw project incidentele subsidie COVID-19

Hi, wisten jullie dat OSIRIS data gedeeld werden via LCI met Erasmus?
 Toch wel beetje bijzonder dat in onderstaande paper niemand van EPI betrokken is gezien dat dankzij epi deze metadata er is / van kwaliteit is
 Misschien spijkers op laag water maar toch *

<https://www.biorxiv.org/content/10.1101/2020.04.21.050633v1>

Vriendelijke groet / kind regards,

(10)(2e) (10)(2e)
 RIVM (10)(2e)
 +310 (10)(2e) @ (10)(2e)

From: (10)(2e) (10)(2e)
Sent: dinsdag 28 april 2020 14:04
To: (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>
Subject: FW: Gehonoreerd ZonMw project incidentele subsidie COVID-19

Hoi (10)(2e)

IDS (10)(2e) heeft mij gevraagd om het initiatief te nemen op de ontwikkeling van een Nextstrain NL platform. Bij IDS zijn al grote stappen gemaakt om COVID sequences mooi weer te geven (Callisto-platform; waarbij eigenlijk een lokale Nextstrain versie wordt gedraaid voor alleen de NL sequences).

(10)(2e) heeft nu een ZonMw voorstel gehonoreerd gekregen betreffende covid sequencing. (10)(2e) is daar gelukkig last minute bij aangehaakt zodat RIVM toch involved is.

Met IDS ben ik nu aan het kijken in hoeverre RIVM daar een nuttige bijdrage kan leveren en een niche kan vinden. In eerste instantie hebben we het Callisto platform dat (10)(2e) hopelijk graag wil gebruiken om de COVID sequenties te presenteren (gekoppeld aan OSIRIS data). Het platform zou niet openbaar zijn maar tussen RIVM-ErasmusMC.

Daarnaast hebben wij bepaalde surveillance taken die typisch RIVM zouden zijn; zeker de post-epidemische landelijke surveillance. Deze data geven inzicht in eventuele import en de volgorde van infecties. Tenslotte hebben we natuurlijk meer wetenschappelijke vragen zoals hoe de effectieve populatiegrootte van COVID wordt beïnvloed door de maatregelen (andersom dan jullie doelstelling in het artikel). En of transmissie vooral plaatsvindt vanuit puntbronnen of dat het vooral transmissie-ketens zijn (is te zien in sequenties hopelijk).

Nu heb ik begrepen dat (10)(2e) vanuit RIVM Osiris data ontvangt om te koppelen aan de sequenties die zij genereert. Jullie hebben daar ook een artikel van op een preprint server. Hebben jullie daar afspraken van op papier staan? En zijn er vervolg plannen op dit gebied met (10)(2e) van jullie?

Alvast dank.

Vriendelijke groet / kind regards,

(10)(2e) (10)(2e)
RIVM - (10)(2e)
+310 (10)(2e) @ (10)(2e)

From: (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>

Sent: dinsdag 28 april 2020 12:01

To: (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e)@rivm.nl'

Subject: FW: Gehonoreerd ZonMw project incidentele subsidie COVID-19

Hoi,
Hierbij het projectvoorstel.
Groeten,

(10)(2e)
From: (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@erasmusmc.nl>

Sent: maandag 20 april 2020 11:44

To: (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@rivm.nl>; (10)(2e)@umcutrecht.nl'

<(10)(2e)@umcutrecht.nl>; (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@amsterdamumc.nl> <(10)(2e)@amsterdamumc.nl>;

(10)(2e)@umcutrecht.nl' <(10)(2e)@umcutrecht.nl>

Cc: (10)(2e) (10)(2e) <(10)(2e)@erasmusmc.nl>; (10)(2e) <(10)(2e)@erasmusmc.nl>

Subject: Gehonoreerd ZonMw project incidentele subsidie COVID-19

Beste mede-aanvragers,

Namens (10)(2e) stuur ik jullie de definitieve ZonMw aanvraag voor COVID-19 onderzoek getiteld "Monitoring the evolution, spread and transmission of SARS-CoV-2 through whole genome sequencing to enable fast genotype to phenotype prediction" en de bijbehorende honoreringsbrief van ZonMw.

Mijn collega (10)(2e) en ik nemen spoedig contact met jullie op omtrent zaken als het consortium agreement en het data management plan.

Met vriendelijke groeten,

(10)(2e) (10)(2e) MSc.
(10)(2e)
Erasmus MC - Department of Viroscience



Office days: In line with the measures proposed by our government to limit the spread of the new coronavirus, I am working from home. Therefore, my response to e-mails might be even slower than usual. I apologize for any inconvenience.

Visiting address:
Wytemaweg 80 - (10)(2e)
3015 CN Rotterdam, The Netherlands
Phone: (10)(2e)

Mobile phone: +31 6 (10)(2e)
E-mail: (10)(2e)@erasmusmc.nl
<http://www.erasmusmc.nl/viroscience>

Visit our project websites:
<http://www.initiate-itn.eu>
<http://www.compare-europe.eu>

Research articles:

How ownership rights over microorganisms affect infectious disease control and innovation: a root-cause analysis of barriers to data sharing as experienced by key stakeholders. PLOS ONE <https://journals.plos.org/plosone/article?id=10.1371/journal.pone.0195885>

Familiar barriers still unresolved – a perspective on the Zika virus outbreak research response. Lancet ID <https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1473309918304973?via%3Dihub>